

OFERTA DE ANÁLISIS BIOINFORMÁTICOS DE TÉCNICAS ÓMICAS

El Servicio de Investigación Biosanitaria (SIB) del ACTI ha puesto en marcha una serie de prestaciones orientadas a ofertar a la comunidad universitaria la realización de análisis bioinformáticos de datos procedentes de técnicas ómicas.

Las líneas principales de análisis ofertados son las siguientes:

- **Análisis Bioinformático de Bulk RNA-seq**
 - Alineamiento preciso y cuantificación de expresión génica.
 - Estudios de expresión diferencial.
 - Análisis de términos GO y rutas KEGG.
- **Análisis Bioinformático de Single-cell RNA-Seq**
 - Caracterización detallada de células a nivel individual.
 - Identificación de genes diferenciales entre grupos de células.
 - Análisis enriquecido en GO y KEGG.
- **Análisis Bioinformático de Datos Metagenómicos**
 - Análisis detallado de secuenciación de amplicones.
 - Caracterización de diversidad biológica y representación gráfica.
- **Análisis Bioinformático de Datos Proteómicos**
 - Identificación y cuantificación de proteínas.
 - Análisis de modificaciones post-traduccionales.
 - Estudios funcionales y de vías metabólicas.
- **Análisis Bioinformático de Datos Metaproteómicos**
 - Análisis de expresión proteica en muestras complejas.
 - Estudio de interacción de proteínas en comunidades microbianas.
 - Integración con datos metagenómicos.
- **Análisis Bioinformático de DNA-seq**
 - Alineamiento de secuencias de ADN y detección de variantes.
 - Análisis estructural y organizacional del genoma.
 - Análisis comparativo de genomas y estudios filogenéticos.
- **Análisis Bioinformático de Microarrays**
 - Análisis integral de datos de microarrays de expresión y ADN.
 - Estudios de expresión diferencial y clustering.
 - Enriquecimiento en términos GO y rutas KEGG.

- **Análisis de Datos de Transcriptómica Espacial (GeoMx® DSP)**
 - Análisis espacial de expresión génica manteniendo localización.
 - Estudio de heterogeneidad celular y microambientes.
 - Integración de datos espaciales y génicos.
- **Análisis de Docking Molecular**
 - Simulación de interacciones ligando-proteína.
 - Predicción de actividad biológica y afinidad molecular.
 - Estudios de dinámicas moleculares para diseño de fármacos.

Junto a las prestaciones mencionadas, es posible realizar análisis y ajustes personalizados de datos biológicos de otra índole.

El desarrollo de este nuevo servicio ampliamente demandado por los investigadores ha sido posible gracias a al Plan Complementario de Ciencias Marinas (THINKINAZUL), que ha permitido la contratación de un titulado superior especializado en la materia.

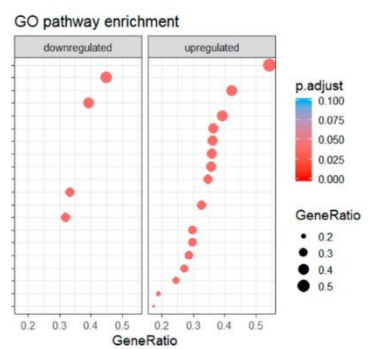
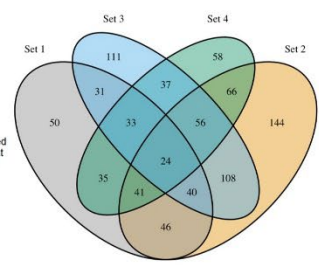
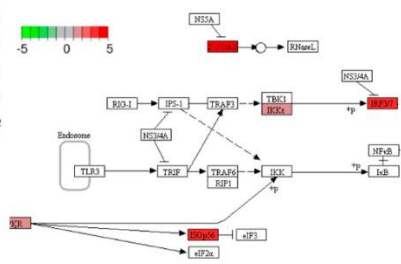
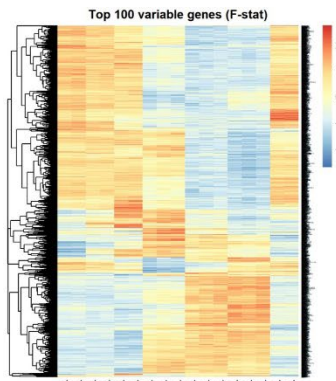
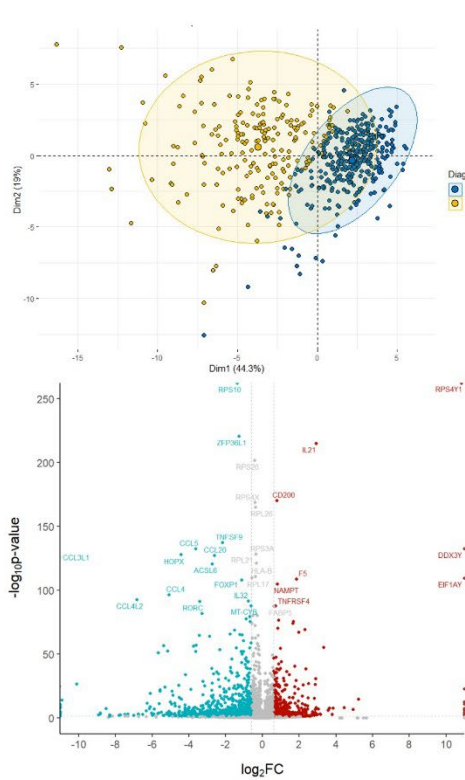
Las instalaciones donde se desarrollan estos análisis se ubican en la división de Apoyo Estadístico del SIB del edificio SACE en el Campus de Espinardo.

A través del siguiente link (<https://www.um.es/web/acti/contenido/servicios/apoyo-estadistico>) se puede obtener información detallada de las prestaciones ofertadas.

Para utilizar los servicios de análisis bioinformático, es posible contactar con Enrique Pérez Navarro mediante:

e-mail: enrique.perez2@um.es

teléfono: +34 868 88 7302



ProbeName	symbol	logFC	AveExpr	t	P.Value	adj.P.Val	B
10942	A_23_P10385	DTL	-1.0343420	11.807137	-16.47901	2.818996e-43	2.795894e-39
NA_2397	<NA>	<NA>	-1.0365869	11.859608	-16.47451	2.928203e-43	2.795894e-39
NA_4209	<NA>	<NA>	2.8216736	8.138258	16.44249	3.838580e-43	2.795894e-39
20701	A_23_P99452	BRCA2	-1.0364410	11.746146	-16.40002	5.496246e-43	2.934785e-39
8500	A_23_P62738	RAD54B	-1.0432524	11.685631	-16.37632	6.715448e-43	2.934785e-39
21853	A_23_P42128	KCNK17	-1.0322306	11.801297	-16.35000	8.389058e-43	3.055155e-39
17177	A_23_P145437	PHIP	2.1695249	9.684420	16.24011	2.123717e-42	6.629333e-39
42263	A_24_P364236	NDUFC2	2.2246717	7.026246	15.96048	2.254844e-41	6.158824e-38
NA_3490	<NA>	<NA>	-1.0410844	13.955996	-15.51981	9.293894e-40	2.256454e-36
7717	A_24_P183150	CXCL3	-0.8503928	10.472923	-15.29224	6.324130e-39	1.381886e-35
44713	A_23_P43238	NAPRT1	-0.8665254	10.726145	-15.27424	7.359303e-39	1.461892e-35

